

gi|9506563|ref|NP\_062270.1| M Q P P W G L A L P L L L P W V T G G V G -- T S P W D Y G L S A L A H O P G V C Q Y G T K M A C C Y G W K R N N K G V C E A M C P R C K F G E C V G P N K C R C F P G Y T G K T C T Q D V N E C G V K P R P C Q H R C V N T H G S Y K C F C L S G H M L L P D A T C S N S R T C A R I N C O Y G C E D T 150  
gi|62666785|ref|XP\_228918.3| M Q P P W G L A L P L L L P W V A G G V G -- T S P R D Y W L P A L A H O P G V C H Y G T K T A C C Y G W K R N S K G V C E A V C E P R C K F G E C V G P N K C R C F P G Y T G K T C S O D V N E C A F K P R P C Q H R C V N T H G S Y K C F C L S G H M L L P D A T C S N S R T C A R I N C O Y S C E D T 150  
gi|13124888|ref|NP\_056322.2| M P L P W S L A L P L L L S W V A G G F G N A A S A R H H G L L A S A R O P G V C H Y G T K L A C C Y G W R R N S K G V C E A T C E P G C K F G E C V G P N K C R C F P G Y T G K T C S O D V N E C G M K P R P C Q H R C V N T H G S Y K C F C L S G H M L L P D A T C V N S R T C A M I N C O Y S C E D T 150  
gi|55662443|ref|XP\_528894.1| M P L P W S L A L P L L L S W V A G G F G N A A S A R H H G L L A S A R O P G V C H Y G T K L A C C Y G W R R N S K G V C E A A C E P G C K F G E C V G P N K C R C F P G Y T G K T C S O D V N E C G M K P R P C Q H R C V N T H G S Y K C F C L S G H M L L P D A T C V N S R T C A M I N C O Y S C E D T 150  
gi|74007119|ref|XP\_548865.2| M P P P W A L A L P L L L P W V A G G L G N A A S P R D R G L L T S A P O P L C R Y G A K L A C C Y G W R R N S K G A C E A T C E P G C K F G E C V G P N K C R C F P G Y T G K T C G D V N E C G I K P R P C Q H R C V N T H G S Y K C F C L S G H M L L P D A T C A N S R T C A M I N C O Y S C E D T 150  
gi|118084136|ref|XP\_416835.2| M V P -- A P G G A L L A A P L A A L A A A G S S R R A R Q L V I S O P G V C R Y G S R L D C C Y G W K N N K G R C E A I C H G C K Y G E C M G P N K C C Y P G F T G K T C N D L N E C G L K P R P C E H R C M N T H G S Y K C Y C L N G Y M L M P D G T C A S S R T C A I A N C O Y G C E V 150  
gi|50539982|ref|NP\_001002457.1| M S L G V C R Y G S R L E C C Y G W K N T K G C E A Q C D L G C K H G E C V G P N K C C F P G Y T G K T C S O D L N E C G L K P R P C E H R C M N T F G S Y M C Y C L N G Y M L M P D G S C A N S R T C S L A H C O Y G C E V 150



gi|9506563|ref|NP\_062270.1| E E G P R C V C P S S G L R L G P N G R V C L D I D E C A S K A V C P S N R R C V N T F G S Y Y C K C H I G F E L K Y I G R R Y D C V D I N E C A L N T H P C S P H A N C L N T R G S F K C K C K G Y R G N G L Q C S V I P E H S V K E I L T A P G T I K D R I K K L L A H K R I M K K V K L K M V 300  
gi|62666785|ref|XP\_228918.3| A E G P R C V C P S S G L R L G P N G R V C L D I D E C A S K A V C P S N R R C V N T F G S Y Y C K C H I G F E L K Y I G R R Y D C V D I N E C T L N T R T C S P H A N C L N T G S F K C K C K G Y R G N G L Q C S V I P E H S V K E I L T A P G T I K D R I K K L L A H K R I M K K V K L K N V T 300  
gi|13124888|ref|NP\_056322.2| E E G P Q C L C P S S G L R L A P N G R D C L D I D E C A S G K V I C P Y N R R C V N T F G S Y Y C K C H I G F E L Q Y I S G R Y D C I D I N E C T M D S H T C S H H A N C F N T G S F K C K C K G Y K G N G L R C S A I P E N S V K E V L R A P G T I K D R I K K L L A H K N S M K K K A K I K N V T 300  
gi|55662443|ref|XP\_528894.1| E E G P Q C L C P S S G L R L A P N G R D C L D I D E C A S G K V I C P Y N R R C V N T F G S Y Y C K C H I G F E L Q Y I S G R Y D C I D I N E C T M D S H T C S H H A N C F N T G S F K C K C K G Y K G N G L R C S A I P E N S V K E V L R A P G T I K D R I K K L L A H K N S M K K K V I K I N V I 300  
gi|74007119|ref|XP\_548865.2| E E G P R C L C P S S G L R L A P N G R V C I D I D E C A S K A V C P Y N R R C V N T F G S Y Y C K C H V G F E L K Y V R G Y D C V D I N E C A V N T C S L H A N C L N T P G S F K C K C K G Y K G S G L Q C S V I P E N S V K E V L R A P G T I K D R I K K L L A H K N S M K K V K I K N V I 300  
gi|118084136|ref|XP\_416835.2| K E E V Q C L C P S V G L H L G P N G R T C I D I D E C S T G R A V C S F N R R C V N T F G S Y Y C K C Q L G Y E L K Y I S G H Y D C V D V N E C V T A H R C N L H A E C L N T E G S F K C K C K G Y Q G N G F D C A A I P E K S V K E I P R I P G T A K D T I K K L L A H K N S V T K H K A I K N V I 300  
gi|50539982|ref|NP\_001002457.1| G S E V R C L C P S P G L Q L G S D G K T C E D I D E C A L G K N Q C P F N R Q C T N T F G S Y Y C K C P G Y D L K Y I N G K Y D C V D V N E C T S V T H K C S H H A E C I N T L G S Y K C K C K G F R G S G F D C S V K P - F Y H R S W D S S K G N I D V L V N A P D F P S K T I R L G K F E N S I 300



gi|9506563|ref|NP\_062270.1| P R P A S T R V P K V N L - P Y S S E E G V S R G R N Y D G E Q K K K E E G K R E L R L E E - E K G - E K T L R N E V E Q E R L R G D V F S P K V N E A E D L D L V Y V O R K E L N S K L K H K - D L N I S V D C S F D L G V C D W K O D R E D D F D W N P A D R D N D V G Y M A V P A L A G H K K N I G 450  
gi|62666785|ref|XP\_228918.3| P R P A S T R A P K V N L - P Y S S E E G V S R G R N S G G E Q R K E E R K R K L R L E E - E K S - E K A L R N E V E Q E R L R G D V F S P K V N E A E D L D L V Y I Q R K E L N S K Q E H K - D L N I S V D C S F D L G V C D W K O D R E D D F D W N P A D R D N A I G F Y M A V P A L A G H K K N I G 450  
gi|13124888|ref|NP\_056322.2| P E P T R T P T P K V N L Q P F N Y E I V S R G G N S H G G K K G N E E K M K E G L E D - E K R E E K A L K N D I E - E R S L R G D V F F P K V N E A G E F G L L V O R K A L T S K L E H R - D L N I S V D C S F N H G I C D W K O D R E D D F D W N P A D R D N A I G F Y M A V P A L A G H K K D I G 450  
gi|55662443|ref|XP\_528894.1| P E P T R T P T P K V N L Q P F N Y E I V S R G G N S H G G K K G N E E K M K E G L E D - E K R E E K A L K N D I E - E R S L R G D V F F P K V N E A G E F G L V L V O R K A L T S K L E H R A D L N I S V D C S F N H G I C D W K O D R E D D F D W N P A D R D N A I G F Y M A V P A L A G H K K D I G 450  
gi|74007119|ref|XP\_548865.2| T E P S G T P A P K V N L W P L N P E E T V S R A R T S N G G K K Q K E E R N K G L E E - E K Y E K A L K N H V E R E Q S L R G D V F S P K V N E A G E L G L V L A H G P V T S R L E H K - D L N I S V D C S F D H G V C D W K O D I E D D F D W N P A D R N N A V G Y M A V P A L A G H K K D V G 450  
gi|118084136|ref|XP\_416835.2| P E A A M T P A S K T R L Q S L D Y E G G F D L G G S Y T V G E K K T E V T I E E V E D T D E E E K E D Y E N Q V D H E Q S L R G D V F F P Q G K E A A A F G P L L A Q R K V S V T R Q E H E - - - - V D C S F S R G V C D W K O D T S D D F D W N P A D R D R G D G Y M A V P A F V Q K K D M G 450  
gi|50539982|ref|NP\_001002457.1| P E P V L T E S P R Q H L Q P F D Y G E V Y I G A P Q E T P V F P E E E E V E E - - E E - E E D T E N Q L E - - - D E E L S R G D V F S - Q D D F V S F Y Q E L E L K E I Q A A P L K E R - - - - F L T D G F D R G A C E V O D N A D D L D W T I K Y H P D G R E Y Y L A L E G F V G N R R E Q A 450



gi|9506563|ref|NP\_062270.1| R L K L L L P N L T P Q S N F C L L F D Y R L A G D K V G K L R V F V K N S N N A L A W E E T K N E D G R W R T G K I Q L Y Q G I D T K S V I F E A E R G K G K T G E I A V D G V L L V S G L C P D D F L S V E G 556  
gi|62666785|ref|XP\_228918.3| R L K L L L P N L T P Q S N F C L L F D Y R L A G D K V G K L R V F V K N S N N A L A W E E T K T E D G K W K T G K V P L Y Q G I D T K S V I F E A E R G K G K T G E I A V D G V L L V S G L C P D D F L S E E G 556  
gi|13124888|ref|NP\_056322.2| R L K L L L P D L Q P S N F C L L F D Y R L A G D R V G K L R V F V K N S N N A L A W E K T T S E D E K W K T G K I Q L Y Q G T A T K S I I F E A E R G K G K T G E I A V D G V L L V S G L C P S L L S V D D 556  
gi|55662443|ref|XP\_528894.1| R L K L L L P D L Q P S N F C L L F D Y R L A G D K V G K L R V F V K N S N N A L A W E E T T S E D E K W K T G K I Q L Y Q G T A T K S I I F E A E R G K G K T G E I A V D G V L L V S G L C P S L L S V D D 556  
gi|74007119|ref|XP\_548865.2| R L K L L L P D L Q A Q S N L C L L F N Y R L A G V K V G K L R V F V K N S N N A L A W E E T G S E D E R W K T G K I Q L Y Q E T G T K S I I F E A E R G K G K T G E I A V D G V L L V S G L C P D G L L S V N G 556  
gi|118084136|ref|XP\_416835.2| R L K L L L S D L K P K S T Y C L I F S Y R L A G E R V G K L R V F M A N K K T A P V W E Q D R G K D E R W R T G K V E I L Q A E T T N S I I F E S E R G K G K T G E I G V D N V I L V P G L C P E D T - - - - 556  
gi|50539982|ref|NP\_001002457.1| R M K L L L E D H M R Q S F C L R F D F R I E G P Q T G V L R V K L D N S - A I S I W E R K Q S Q R Q S W S E Q I S I W T D S N P E A V V F E A E R G S G T G E I A L D H V L L I S G E C S E D K L L D F - 556

