

```

          :.:*:.*:*:  *****:.*.*.*.*:.*.*.*.*:.*.*.*.*:.*.*.*.*:.*.*.*.*:.*.*.*.*:.*.*.*.*:.*.*.*.*:.*.*.*.*:.*.*.*.*:
gi | 4503029 | ref | NP_001869.1 | -----MPNFGSNWKIIRSENFEEELKVLGVNVMLRKKIAVAAASKPAVEIKOEGD-IFYIKTSTTVRTTEINFKVGEFEFEQTVDRPCKSLVKWSEENKMVCEORLLKGGGPKTSWTRELINDGELILMTADDVCTRYYVRE 147
gi | 114560297 | ref | XP_001166367.1 | -----MPNFGSNWKIIRSENFEEELKVLGVNVMLRKKIAVAAASKPAVEIKOEGD-IFYIKTSTTVRTTEINFKVGEFEFEQTVDRPCKSLVKWSEENKMVCEORLLKGGGPKTSWTRELINDGELILMTADDVCTRYYVRE 147
gi | 73961545 | ref | XP_854915.1 | -----MPNFGSNWKIIRSENFEEELKVLGVNVMLRKKIAVAAASKPAVEIKOEGD-IFYIKTSTTVRTTEINFKVGEFEFEQTVDRPCKSLVKWSEENKMVCEORLLKGGGPKTSWTRELINDGELVLTMTADDIVCTRYYVRE 147
gi | 56710325 | ref | NP_001008670.1 | -----MPNFGSNWKIIRSENFEEELKVLGVNVMLRKKIAVAAASKPAVEIKOEGD-IFYIKTSTTVRTTEINFKVGEFEFEQTVDRPCKSLVKWSEENKMVCEORLLKGGGPKTSWTRELINDGELILMTADDVCTRYYVRE 147
gi | 33469075 | ref | NP_031785.1 | -----MPNFGSNWKIIRSENFEEELKALGVNMMMRKIAVAAASKPAVEIKOEND-IFYIKTSTTVRTTEINFKVGEFEFEQTVDRPCKSLVKWSEENKMVCEORLLKGGGPKTSWSRELINDGELILMTADDVCTRYYVRE 147
gi | 25453404 | ref | NP_058940.1 | -----MPNFGSNWKIIRSENFEEELKALGVNMMMRKIAVAAASKPAVEIKOEND-IFYIKTSTTVRTTEINFKVGEFEFEQTVDRPCKSLVKWSEENKMVCEORLLKGGGPKTSWSRELINDGELILMTADDVCTRYYVRE 147
gi | 33504501 | ref | NP_878279.1 | -----MDRKIPDFAGTWKMKSENFEELKALGVNVMLRKKIAVAAASKPSVEITOEGE-LLTIKTSTSVRTINVTFTVGEFNEATVDGRPCTSFPRWVDSKISCEOTLQKGGGPKTSWTREINDAELILMTADDVCTRYYVRE 147
gi | 292622084 | ref | XP_002664864.1 | -----MDRKIPDFAGTWKMKSENFEELKALGVNVMLRKKIAVAAASKPSVEITOEGE-LLTIKTSTSVRTINVTFTVGEFNEATVDGRPCTSFPRWVDSKISCEOTLQKGGGPKTSWTREINDAELILMTADDVCTRYYVRE 147
gi | 147902040 | ref | NP_001012501.2 | MESNTEKTFADFSGSKMKSENFEELKALGVNVFLRKKIAVAAASKPAVEISQOGE-SLSVQTSVSRTHVSEFTVGESENETVDGRPCTSFPRWVDSKISCEOTLQKGGGPKTSWTREINDGOMILTMRAGDVCTRYYERD 147
          1.....10.....20.....30.....40.....50.....60.....70.....80.....90.....100.....110.....120.....130.....140.....

```

